

Bioinformatique pour la génomique



ECTS
5 crédits



Hourly volume
35h

Introducing

Description

Objectives

This UF will provide the knowledge and skills necessary to manipulate data from experimental approaches using so-called 2nd and 3rd generation high-throughput sequencing, to:

1. Generate a reference genome or transcriptome.
2. Annotate these sequences looking for gene regions and predicting their function.
3. Align high-throughput sequences on these reference genomes to search for allelic variants (SNP calling).
4. Identify the epigenome by bisulfite sequencing and by ChIP-Seq.

Necessary prerequisites

Participation in UF I5GBBC01

Évaluation

L'évaluation des acquis d'apprentissage est réalisée en continu tout le long du semestre. En fonction des enseignements, elle peut prendre différentes formes : examen écrit, oral, compte-rendu, rapport écrit, évaluation par les pairs...

Practical info

Location(s)

 Toulouse