

DOMAINE DU GENOME AU SYSTEME _14 ECTS

Présentation

Description

Évaluation

L'évaluation des acquis d'apprentissage est réalisée en continu tout le long du semestre. En fonction des enseignements, elle peut prendre différentes formes : examen écrit, oral, compte-rendu, rapport écrit, évaluation par les pairs...

Infos pratiques

Lieu(x)

 Toulouse

DOMAINE DU GENOME AU SYSTEME

 ECTS
14 crédits

 Volume horaire
185h

Présentation

Description

Évaluation

L'évaluation des acquis d'apprentissage est réalisée en continu tout le long du semestre. En fonction des enseignements, elle peut prendre différentes formes : examen écrit, oral, compte-rendu, rapport écrit, évaluation par les pairs...

Infos pratiques

Lieu(x)

 Toulouse

Bio-informatique pour la génomique



ECTS



Volume horaire
63h

Présentation

Participation à l'UF I5GBBC01

Description

L'étudiant devra être capable d'utiliser les outils bio-informatiques installés sur un cluster de calcul pour générer, annoter et exploiter un génome ou un transcriptome de référence.

Évaluation

L'évaluation des acquis d'apprentissage est réalisée en continu tout le long du semestre. En fonction des enseignements, elle peut prendre différentes formes : examen écrit, oral, compte-rendu, rapport écrit, évaluation par les pairs...

Objectifs

Cette UF permettra d'acquérir les connaissances et les compétences nécessaires pour manipuler les données issues des approches expérimentales faisant appel au séquençage haut débit dit de 2ème et 3ème génération, pour :

1. Générer un génome ou un transcriptome de référence.
2. Annoter ces séquences en cherchant les régions géniques et en prédisant leur fonction.
3. Aligner des séquences haut débit sur ces génomes de référence pour chercher des variants alléliques (SNP calling).
4. Identifier l'épigénome par séquençage bissulfite et par ChiP-Seq.

Infos pratiques

Lieu(x)

Toulouse

Pré-requis nécessaires

Post Génomique



ECTS



Volume horaire
45h

Présentation

Description

Module 0 Généralité

Présentation des approches "omiques", leur finalité, leur intérêt et leurs limites. Introduction aux approches génomiques.

Module 1 Transcriptomique

Ce module a comme objectif de présenter les approches visant à quantifier les molécules d'ARN, des premières approches aux RNA-Seq.

Module 2 Protéomique

Ce module a comme objectif de présenter les approches visant à identifier et à quantifier les protéines à l'échelle génomique, du gel2D à la protéomique comparative.

Module 3 Métabolome et Fluxome

Ce module a comme objectif de présenter les approches visant à identifier et à quantifier les pools de métabolites et les distributions de flux dans les voies métaboliques.

Objectifs

Connaître et savoir utiliser les principales approches "omiques" (gène, ARN, protéines, métabolites et flux). Apprendre à manipuler les jeux de données et à en

extraire l'information essentielle.

Évaluation

L'évaluation des acquis d'apprentissage est réalisée en continu tout le long du semestre. En fonction des enseignements, elle peut prendre différentes formes : examen écrit, oral, compte-rendu, rapport écrit, évaluation par les pairs...

Infos pratiques

Lieu(x)

Toulouse

Biologie Intégrative



ECTS



Volume horaire

42h

Présentation

Description

Objectifs. L'étudiant devra connaître et savoir utiliser des méthodes d'intégration de données :

Module 1 : Intégration statistique des données (avec mixOmics)

Module 2 : Modélisation dynamique d'un système biologique avec régulation

Module 3 : Introduction à l'IA pour la génomique

Objectifs

Finalités. L'étudiant devra être capable d'analyser et de modéliser des données de grandes dimensions et/ou provenant de différents niveaux d'organisation du vivant. Pour cela, l'étudiant devra savoir identifier et utiliser à bon escient les domaines et les méthodes adéquats présentés dans cette unité de formation.

Pré-requis nécessaires

I5GBBC01

I5GBBC02

I5GBBC03

Évaluation

L'évaluation des acquis d'apprentissage est réalisée en continu tout le long du semestre. En fonction des enseignements, elle peut prendre différentes formes : examen écrit, oral, compte-rendu, rapport écrit, évaluation par les pairs...

Infos pratiques

Lieu(x)

Toulouse

Biologie structurale et computationnelle



ECTS



Volume horaire
35h

Présentation

Description

Objectifs. Être capable de visualiser, manipuler, analyser des structures tridimensionnelles de (macro)molécules. Connaître les principales méthodes de calcul utilisées en modélisation 3D ainsi que leurs limites pour prédire la structure de protéines et assemblage moléculaires ainsi que pour étudier la réactivité, la conformation, et la dynamique des molécules. Être capable de choisir les approches de modélisation moléculaire les plus adaptées en fonction de la question biologique posée.

Objectifs

Finalités. Cette unité de formation permettra d'acquérir les connaissances et compétences nécessaires en modélisation moléculaire pour l'étude des relations séquence-structure-dynamique-fonction des protéines.

Pré-requis nécessaires

I5GBBC01

Évaluation

L'évaluation des acquis d'apprentissage est réalisée en continu tout le long du semestre. En fonction des enseignements, elle peut prendre différentes formes : examen écrit, oral, compte-rendu, rapport écrit, évaluation par les pairs...

Infos pratiques

Lieu(x)

Toulouse